

Identificazione del polimorfismo 92 A/G nel gene CDA (citidina deaminasi)

AMPLI-CDA 92 A/G

Cat.n. 2.015

La citarabina (ARA-C) è un agente chemioterapico appartenente alla classe dei farmaci antimetaboliti. La resistenza al farmaco è uno dei motivi che causano il fallimento della terapia, associato tra logaltro a numerosi effetti collaterali che contribuiscono alla morbilità e alla mortalità.

Lødentificazione dei fattori genetici importanti per la suscettibilità alla citotossicità causata dalløARA-C può essere utile per individualizzare il trattamento chemioterapico. Recentemente sono stati individuati polimorfismi a carico degli enzimi deossicitidina chinasi (DCK) e citidina deaminasi (CDA) che si sono dimostrati importanti per lødentificazione di pazienti più suscettibili o meno alla citotossicità causata dal farmaco ARA-C.

Il kit permette lødentificazione del polimorfismo CDA 692 AG mediante la tecnica di PCR seguita da digestione enzimatica. La ricerca polimorfismo viene eseguita previa amplificazione con primers specifici di un frammento di 225 bp, con successivo taglio di restrizione ad opera dellønzima Sty I. La presenza della mutazione viene indicata dalla acquisizione di un sito di restrizione. In altri termini dalløallele 692A si ottengono frammenti di 206 e 19 bp, mentre løallele 692G produce 3 frammenti di 126, 80 e 19 bp.

Principio del metodo:

A) estrazione del DNA genomico B) amplificazione C) digestione enzimatica D) rivelazione sul gel di agarosio.

Applicabilità: Su DNA genomico estratto e purificato da campioni di sangue intero.

Numero di Tests: 50

CONTENUTO DEL KIT E SUA CONSERVAZIONE

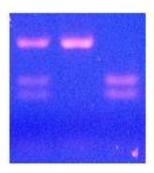
AMPLIFICAZIONE e DIGESTIONE	
PCR mix	-20°C
H ₂ O sterile	-20°C
Taq Polymerase (5U/μl)	-20°C
Enzima Sty I (10U/μl)	-20°C
BUFFER di digestione10X	-20°C
BSA 100X	-20°C
Controllo positivo ETEROZIGOTE	-20°C

Stabilità: superiore a 18 mesi se correttamente conservato

INTERPRETAZIONE DEI RISULTATI

1 Assenza della mutazione Soggetto Normale	2 Presenza della mutazione Soggetto eterozigote	3 Presenza della mutazione Soggetto Omozigote Mutato
	Controllo positivo del kit	
Presenza di 2 bande	Presenza di 4 bande	Presenza di 3 bande
206 bp	206bp	
19 bp	126bp	126bp
•	80 bp	80 bp
	19 bp	19 bp

ET WT OMO MUT



Bibliografia:

British Journal of Haematology, 144, 3886394, 2008 Bood, 113, 2145-2153, 2009